



EIC nel gene DNMI.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Il risultato è valido solo per le razze Boykin Spaniel, Chesapeake Bay Retriever, Clumber Spaniel, Curly Coated Retriever, Drahthaar tedesco, Labrador Retriever, Old English Sheepdog e Pembroke Welsh Corgi.

### **Paracheratosi nasale ereditaria (HNPk) - PCR**

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della paracheratosi nasale ereditaria (HNPk) nel gene SUV39H2.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Labrador Retriever.

### **Nanismo (Skeletal Dysplasia 2) - PCR**

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile di SD2-nanismo nel gene COL11A2.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Labrador Retriever.

### **Miopia ereditaria (CNM) - PCR**

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della Miopia ereditaria (cnm) nel gene PTPLA.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Labrador Retriever  
Questo test rileva la Miopia centronucleare (cnm);  
altre forme di miopia non vengono rilevate.

**\*Atrofia retinica progressiva (prcd-PRA) (lab. partner) - PCR**

Esito: Genotipo N/N (A)

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della prcd-PRA nel gene PRCD.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: American Cocker Spaniel, American Eskimo Dog, Australian Cattle Dog, Australian Shepherd, Australian Stumpy Tail Cattle Dog, Barbet, Barbone, Bolognese, Bolonka Zwetna, Chesapeake Bay Retriever, Chihuahua, Chinese Crested, English Cocker Spaniel, English Shepherd, Entlebucher Mountain Dog, Finnish Lapphund, German Spitz, Golden Retriever, Karelian Bear Dog, Kuvasz, Labrador Retriever, Lagotto Romagnolo, Lapponian Herder, Markiesje, Norwegian Elkhound, Nova Scotia Duck Tolling Retriever, Portugese Water Dog, Schipperke, Schnauzer gigante, Silky Terrier, Spanish Water Dog, Swedish Lapphund, Wäller, Yorkshire Terrier

**\*Displasia retinica (OSD)-laboratorio partner - PCR**

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della OSD.

Ereditarietà: autosomica dominante

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Labrador Retriever

**B-Locus (colore del mantello marrone) - PCR**

L'esame genetico del B-Locus rileva le quattro varianti eziologiche recessive ad oggi conosciute come alleli bd, bc, bs e b4, oltre che l'allele dominante B.

Presumibilmente esistono ulteriori varianti al momento non conosciute che sono responsabili del colore marrone del mantello nelle razze come Bulldog francese, Yorkshire Terrier e altre razze simili di piccola taglia. Purtroppo al momento non è ancora disponibile un test genetico per queste varianti.

Esito bd: genotipo B/B

Interpretazione: L'animale esaminato non porta l'allele bd.

Esito bc: genotipo B/B

Interpretazione: L'animale esaminato non porta l'allele bc.

Esito bs: genotipo B/B

Interpretazione: L'animale esaminato non porta l'allele bs.

Esito b4: genotipo B/B

Interpretazione: L'animale esaminato non porta l'allele b4.

Sequenza allelica: B è dominante rispetto a bd, bc, bs e b4.

Se si presenta una variante eziologica in forma omozigote, il pigmento nero (eumelanina) si schiarisce e l'animale mostrerà il mantello di colore marrone nelle aree originariamente nere. Se si presentano più varianti eziologiche in forma eterozigote, non è possibile conoscere l'espressione dell'eumelanina. Le aree scure possono essere quindi nere oppure marroni.

**E-locus (Colore del mantello giallo) - PCR**

Esito: Genotipo E/E

Interpretazione: Il cane esaminato ha nel Locus E la combinazione di alleli E/E, questo significa che il mantello del cane nelle regioni pigmentate non mostrerà i colori dati dal locus E (a seconda della razza: giallo, limone, rosso, crema, albicocca).

E' stata analizzata la mutazione conosciuta attualmente che è responsabile per la manifestazione di questo colore.

Attenzione:

Nella razza Australian Cattle Dog è stata trovata un'ulteriore variante causale nel locus E (denominata e2).

La mutazione aggiuntiva potrebbe essere responsabile del colore giallo in altre razze.

**Raccolta del campione:**

La seguente persona super partes (veterinario, funzionario ufficiale o simili) firmando il presente modulo conferma l'identità dell'animale e di averne prelevato il campione.

**Dott.ssa Barbieri Federica**

Il mittente è responsabile per le corrette informazioni riguardanti il materiale inviato. Il laboratorio non ne è responsabile. Inoltre, ogni obbligo a risarcimenti è limitato al valore del test eseguito.

L'analisi è stata eseguita secondo le ultime conoscenze e tecnologie.

Il laboratorio è accreditato per l'esecuzione di questo test secondo DIN EN ISO/IEC 17025:2005 (fanno eccezione i test di laboratori partner)

**Le scontistiche concesse agli appartenenti ai club di razza/all'ENCI sono state applicate agli esami aventi diritto!**

\*\*\* FINE del referto \*\*\*

Hr.Dr. Beitzinger  
Dipl.-Biol. Molekularbiologie

\*: effettuato presso laboratori partner